

ARENCEBIA V. ET AL. ANÁLISIS GENÉTICO POBLACIONAL DE GRUPOS CAZADORES RECOLECTORES DEL HOLOCENO TARDÍO DEL LAGO SALITROSO (SANTA CRUZ, ARGENTINA)

POPULATION GENETIC ANALYSIS OF HUNTER-GATHERER GROUPS FROM THE LATE HOLOCENE OF THE SALITROSO LAKE (SANTA CRUZ, ARGENTINA)

Material suplementario

TABLA S1. Base de datos de grupos poblacionales antiguos (agrupados siguiendo un criterio geográfico) y adscriptos a nativos actuales utilizada para los análisis bioestadísticos

Grupo poblacional	n	Región	Temporalidad (años AP)	Referencias						
Norpatagonia	4	Norpatagonia andina	5600-S. XVI	Crespo et al., 2017b						
	11	Norpatagonia costera	3196-464	Crespo et al., 2017a						
Costa de Santa Cruz	5	Cañadón Misionero	70±30	Motti et al., 2015						
		Puerto San Julián	n.d.	Crespo et al., 2017a						
Lago Salitroso	16	Noroeste de Santa Cruz	2600-301	este trabajo						
			1820-220	de la Fuente et al., 2015						
Kawéskar	20	Archipiélagos chilenos	n.d.	Moraga et al., 2010						
			n.d.	Raghavan et al., 2015						
			n.d.	de la Fuente et al., 2015						
Yámana	27	Sur de Tierra del Fuego, Argentina	histórico	Dejean et al., 2008						
			n.d.	Raghavan et al., 2015						
			n.d.	Crespo et al., 2017b						
Selk'nam	3	Tierra del Fuego, Argentina	n.d.	Raghavan et al., 2015						
Total antiguas	86	Pehuenche	42	Trapa-Trapa, Bío-Bío, Chile	actual	de Saint Pierre et al., 2012a				
							34	Isla Huapi, Valdivia, Chile	actual	Moraga et al., 2000
							19	Temuco, Cautín, Chile	actual	
Mapuche	51	Cerro Policía, Aguada	51	Guzmán y Lonco Vaca, Rio Negro, Argentina	actual	de Saint Pierre et al., 2012a				
							39	Anecón Grande, Rio Negro, Argentina	actual	Ginther et al., 1993
Huiliche	58	San Juan, Osorno, Chile	actual	de Saint Pierre et al., 2012a						
Tehuelche	29	Loma Redonda y El Chaliá, Chubut, Argentina	actual	de Saint Pierre et al., 2012a						
Kawéskar	13	Punta Arenas, Magallanes, Chile	actual	Moraga et al., 2010						
Yámana	21	Ukika, Puerto Williams e Isla Navarino, Chile	actual	de Saint Pierre et al., 2012a						
Total actuales	306									

n:tamaño muestral. Los grupos de individuos adscriptos a grupos nativos actuales fueron utilizados únicamente para la realización de las redes de haplotipos. n.d.:no disponible.

TABLA S2. Mutaciones en la HVR I con respecto a la rCRS de todos los investigadores del Equipo de Antropología Biológica y los arqueólogos del sitio

Investigador	SNPs HVR I vs. rCRS	Probable haplogrupo
Investigador 1	16293G 16311C	H11a
Investigador 2	16162G 16209C	H1a1
Investigador 3	16126C 16198C 16294T 16296T 16304C	T2b
Investigador 4	-	H2a2a1
Investigador 5	16111T 16129A 16223T 16290T 16319A 16362C	A2
Investigador 6	16223T 16292T 16357C 16411A 16412A	W
Investigador 7	-	H2a2a1
Investigador 8	-	H2a2a1
Investigador 9	16111T 16223T 16290T 16294T 16319A 16362C	A2
Investigador 10	16304C	H7

-: sin mutaciones con respecto a rCRS.

TABLA S3. Comparación de a pares (F_{ST}) entre todos los grupos poblacionales analizados

	Kawéskar	Yámana	Costa Santa Cruz	Norpatagonia	Lago Salitroso
Kawéskar		<0,00001	0,49414	0,01855	<0,00001
Yámana	0,45845		0,02344	<0,00001	<0,00001
Costa Santa Cruz	0	0,20168		0,53418	0,03613
Norpatagonia	0,13435	0,29079	0		0,01855
Lago Salitroso	0,30656	0,46440	0,16605	0,09682	

Por debajo de la diagonal se muestra el valor de F_{ST} y por encima el correspondiente p-valor. En negrita: $p < 0,05$.

LITERATURA CITADA

- Crespo, C. M., Dubois, C. F., Russo, M. G., Lanata, J. L. y Dejean, C. B. (2017a). First analysis of ancient mtDNA genetic diversity in Northern coast of Argentinean Patagonia. *Journal of Archaeological Science: Reports*, 12, 91-98. doi: 10.1016/j.jasrep.2017.01.011
- Crespo, C. M., Russo, M. G., Hajduk, A., Lanata, J. L. y Dejean, C. B. (2017b). Variabilidad mitocondrial en muestras precolombinas de la Patagonia Argentina. Hacia una visión de su poblamiento desde el ADN antiguo. *Revista Argentina de Antropología Biológica*, 19 (1), 7-27. doi:10.17139/raab.2017.0019.01.07
- de la Fuente, C., Galimany, J., Kemp, B., Judd, K., Reyes, O. y Moraga, M. (2015). Ancient marine hunter-gatherers from Patagonia and Tierra del Fuego: diversity and differentiation using uniparentally inherited genetic markers. *American Journal of Physical Anthropology*, 158, 719-729. doi:10.1002/ajpa.22815.
- de Saint Pierre, M., Bravi, C., Motti, J., Fuku, N., Tanaka, M., Llop, E., Bonatto, S. L. y Moraga, M. (2012a). An alternative model for the early peopling of Southern South America revealed by analyses of three mitochondrial DNA haplogroups. *Plos One*, 7 (9):e43486. doi:10.1371/journal.pone.0043486
- Dejean, C. B., Keyser, C., Avena, S., Dugoujon, J. M., Lu-

- des, B., Crubezy, E. y Carnese, F. R. (2008). Análisis genético de muestras esqueléticas provenientes del Canal de Beagle. Actas del X Congreso Asociación Latinoamericana de Antropología Biológica. La Plata, Argentina.
- Ginther, C., Corach, D., Penacino, G. A., Rey, J. A., Carnese, F. R., Hutz, M. H. y King, M. C. (1993). Genetic variation among the Mapuche Indians from the Patagonian region of Argentina: mitochondrial DNA sequence variation and allele frequencies of several nuclear genes. En: S. D. J. Pena, R. Chakraborty, J.T. Eppelen, A.J. Jeffreys (Eds.), *DNA Fingerprinting: State of the Science. Progress in Systems and Control Theory* (211-219). Birkhäuser, Basel.
- Moraga, M., de Saint Pierre, M., Torres, F. y Ríos, J. (2010). Vínculos de parentesco por vía materna entre los últimos descendientes de la etnia Kawéskar y algunos entierros en los canales patagónicos: evidencia desde el estudio de linajes mitocondriales. *Magallania*, 38(2), 103-114. doi:10.4067/S0718-22442010000200006
- Moraga, M., Rocco, P., Miquel, J. F., Nervi, F., Llop, E., Chakraborty, R., Rothhammer, F. y Carvallo, P. (2000). Mitochondrial DNA polymorphisms in Chilean aboriginal populations: implications for the peopling of the southern cone of the continent. *American Journal of Physical Anthropology*, 113, 19-29.
- Motti, J., Hagelberg, E., Lindo, J., Malhi, R., Bravi, C. y Guichón, R. (2015). Primer genoma mitocondrial en restos humanos de la costa de Santa Cruz, Argentina. *Magallania*, 43(2), 119-131. doi:10.4067/S0718-22442015000200006.
- Raghavan, M., Steinrücken, M., Harris, K., Schiffels, S., Rasmussen, S., DeGiorgio, M. y Willerslev, E. (2015). Genomic evidence for the Pleistocene and recent population history of Native Americans. *Scienceexpress*. doi: 10.1126/science.aab3884.